**IIIème Workshop du Laboratoire BIOMOLIM : Immunoinformatique – Analyse du Transcriptome par Approches à Haut Débit – Du 2/5/2016 au 2/6/2016**

**Laboratoire de Biologie Moléculaire Appliquée et Immunologie & Auditorium de la Faculté SNV-STU. Université de Tlemcen**

**Présidents du Workshop :**

Pr. Mourad ARIBI & Dr. HDR Salvatore SPICUGLIA

**Présidents d’Honneur :**

Monsieur le Recteur de l’Université de Tlemcen, Pr. Mustapha DJAFOUR

Monsieur le Doyen de la Faculté SNV-STU, Pr. Farid LAHFA

**Candidature :**

* Étudiants en Doctorat et Master
* Enseignants-Chercheurs

**Domaine** :

* Immunologie
* Biologie Moléculaire
* Génétique
* Informatique

**Dossier** :

* Demande manuscrite (validée par le Doyen de l’Établissement de Rattachement)
* Lettre de Motivation
* Curriculum-vitae succinct

**Dépôt du dossier** :

Les dossiers complets de participation doivent être envoyés en format électronique (pièces combinées en format pdf), au Pr. Salvatore SPICUGLIA (INSERM U1090, Luminy – Marseille, France. **E-mail** : salvatore.spicuglia@inserm.fr)

**PROGRAMME**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Jour | Matin | Après-midi |
| Dimanche29/5/2016 | Présentation du workshop et introduction générale | Traitement de données RNA-seq |
| Lundi30/5/2016 | Régulation épigénétique au cours du développement et des maladies | Identification de gènes différentiellement exprimés |
| Mardi31/5/2016 | Les lncRNAs: Rôles régulateurs dans le système immunitaire | Etude des Voies de régulation affectées  |
| Mercredi1/6/2016 | Préparation du cDNA | Etude de l'expression des gènes par PCR |
| Jeudi2/6/2016 | Analyse de résultats de PCR par électrophorèse sur gel d'agarose | Présentation des résultatsConclusions |

**MODÈLE EXPÉRIMENTALE**

I. Stimulation d'une lignée lymphocytaire T par un traitement PMA/Ionomycine.

II. Analyse bioinformatique de données RNA-seq.

III. Validation expérimentale par la technique de RT-PCR