



III^{ÈME} WORKSHOP DU LABORATOIRE BIOMOLIM

IMMUNOINFORMATIQUE — ANALYSE DU TRANSCRIPTOME PAR APPROCHES À HAUT DÉBIT

29 MAI - 2 JUIN
AUDITORIUM DE LA FACULTÉ SNV-TU



Présidents du Workshop:
Salvatore SPICUGLIA & Mourad ARIBI

Membres:

- Eve-Lyne MATHIEU
- Denis-Jacques PUTHIER
- Mohamed BELHOCINE
- Yasmina KERMEZLI
- Wiam SAADI
- Lynda KLOUCHE
- Djamel SMAHI
- Warda MEZIANE
- Zeyneb HADJIDI
- Zineb MEKKAoui
- Sana BOUALITABET HELAL

OBJECTIF

Maîtriser les aspects bioinformatiques et expérimentaux de l'analyse du transcriptome à grande échelle.

MODÈLE EXPÉRIMENTALE

- I. Stimulation d'une lignée lymphocytaire T par un traitement PMA/Ionomycine.
- II. Analyse bioinformatique de données RNA-seq.
- III. Validation expérimentale par la technique de RT-PCR

PROGRAMME

Jour	Matin	Après-midi
Dimanche	Présentation du workshop et introduction générale	Traitement de données RNA-seq
Lundi	Régulation épigénétique au cours du développement et des maladies	Identification de gènes différentiellement exprimés
Mardi	Les IncRNAs: Rôles régulateurs dans le système immunitaire	Etude des Voies de régulation affectées
Mercredi	Préparation du cDNA	Etude de l'expression des gènes par PCR
Jeudi	Analyse de résultats de PCR par électrophorèse sur gel d'agarose	Présentation des résultats Conclusions